

ELEVAGE DU VAL DE CEZE ELEVAGE DU VAL DE CEZE 242 CHEMIN DU GRASELAS SAINT GELY 30630 CORNILLON FR48483354213

# T-NOBEL DU VAL DE CEZE

Race: BRAQUE ALLEMAND A POIL COURT N° Identification: 250269590895235

Sexe: M

Date de naissance: 16/10/2022

RUE: SCC1934183

Date de prélèvement : 24/05/2024 Vétérinaire : BARITEAU JULIE(24127)

Laboratoire : WISDOM PANEL Date de résultat : 03/07/2024

AFNOR CERTIFICATION

# Certificat d'Identification Génétique (Norme ISAG2006)

Marqueur	Allèle 1	Allèle 2	Marqueur	Allèle 1	Allèle 2	
AHT121	108	112	INRA21	#	#	
AHT137	145	147	INU005	124	124 148 214 235	
AHT130	117	131	INU030	148		
AHTh171	233	235	INU055	214		
AHTh260	248	252	REN105L03	231		
AHTk211	091	095	REN162C04	202	204	
AHTk253	288	290	REN169D001	216	216	
AMELOGENIN	Υ	Χ	REN169018	162	162	
CXX279	120	124	REN274M23	268	270	
FH2054	156	172	REN54P11	240	240	
FH2848 240		240	REN64E19	147	147	

### Compatibilité de Filiation

Etalon: LION DU VAL DE CEZE - 250269606537633 Lice: PEPITE DU VAL DE CEZE - 250269608351575

Résultat (Norme ISAG 2006)

**COMPATIBLE** 

### Résultat (Norme ISAG 2020)

IDENTIFICATION GÉNÉTIQUE RÉALISÉE







ELEVAGE DU VAL DE CEZE ELEVAGE DU VAL DE CEZE 242 CHEMIN DU GRASELAS SAINT GELY 30630 CORNILLON FR48483354213

# T-NOBEL DU VAL DE CEZE

Race: BRAQUE ALLEMAND A POIL COURT N° Identification: 250269590895235

Sexe: M

Date de naissance: 16/10/2022

RUE: SCC1934183

Date de prélèvement: 24/05/2024 Vétérinaire: BARITEAU JULIE(24127)

AFNOR CERTIFICATION

Laboratoire: WISDOM PANEL Date de résultat: 03/07/2024

# Certificat d'Identification Génétique (Norme ISAG2020)

### Panel 1

Cfam_1:3962719	A/G	Cfam_1:20842130	A/G	Cfam_1:70238933	A/G	Cfam_1:80971770	A/A	Cfam_1:106430955 A	VG	Cfam_1:119414584	G/G	Cfam_2:2610859	A/A
Cfam_2:38293797	G/G	Cfam_2:77806065	A/G	Cfam_3:1252765	A/A	Cfam_3:24757939	A/A	Cfam_3:73570828 G	3/G	Cfam_4:31301072	A/G	Cfam_4:64121754	G/G
Cfam_4:75910211	A/G	Cfam_4:86049027	A/G	Cfam_5:5410890	A/G	Cfam_5:26320165	A/A	Cfam_5:85451804 C	3/G	Cfam_6:11553458	G/G	Cfam_6:33976751	A/A
Cfam_6:64006720	A/A	Cfam_7:76294	G/G	Cfam_7:15011628	G/G	Cfam_7:36555518	G/G	Cfam_8:5291824 A	VG	Cfam_8:18121580	G/G	Cfam_8:45852939	G/G
Cfam_8:63196958	G/G	Cfam_9:22610227	A/G	Cfam_9:40096141	A/G	Cfam_9:52710991	G/G	Cfam_9:60437147 A	VA	Cfam_10:10652659	A/A	Cfam_10:22409408	A/A
Cfam_10:30034450	A/A	Cfam_10:66922269	A/A	Cfam_11:5318488	A/G	Cfam_11:23907101	A/A	Cfam_11:65603333 A	VC	Cfam_12:5579055	A/G	Cfam_12:35306641	G/G
Cfam_12:55201839	G/G	Cfam_12:68125319	G/G	Cfam_13:8704192	A/G	Cfam_13:59896033	A/C	Cfam_14:50063321 A	VA	Cfam_14:58465266	A/G	Cfam_15:19299365	G/G
Cfam_15:22834903	A/C	Cfam_16:29634940	A/A	Cfam_16:46884446	A/A	Cfam_16:57958947	A/A	Cfam_17:10649078 A	VA	Cfam_17:34462308	A/A	Cfam_17:39124697	C/C
Cfam_18:6745949	A/A	Cfam_18:54361347	A/A	Cfam_19:841347	A/A	Cfam_19:15926130	A/C	Cfam_19:27288167 C	C/C	Cfam_19:47470564	A/C	Cfam_20:13740894	G/G
Cfam_20:49900586	A/A	Cfam_20:57167714	G/G	Cfam_21:15558670	G/G	Cfam_21:25537675	A/A	Cfam_21:35719434 C	3/G	Cfam_22:641125	A/A	Cfam_22:26694580	G/G
Cfam_22:55308193	A/A	Cfam_23:42886681	A/C	Cfam_23:50772488	A/A	Cfam_24:23393510	C/C	Cfam_24:29909901 A	VA	Cfam_24:47381908	G/G	Cfam_25:2073511	C/C
Cfam_25:33986348	A/G	Cfam_25:47708600	A/G	Cfam_26:20004896	G/G	Cfam_26:35071515	A/G	Cfam_27:2619058 A	VA	Cfam_27:22599860	A/G	Cfam_27:41049333	A/C
Cfam_28:9877730	G/G	Cfam_28:18509221	A/A	Cfam_28:38885325	A/G	Cfam_29:251970	G/G	Cfam_29:9625359 C	3/G	Cfam_29:17561258	G/G	Cfam_29:36319325	A/A
Cfam_30:3896482	A/A	Cfam_30:15542105	A/G	Cfam_30:32852404	A/G	Cfam_31:21068798	G/G	Cfam_31:39391935 A	VG	Cfam_32:679380	G/G	Cfam_32:17792284	A/G
Cfam_32:32382778	A/G	Cfam_33:15018500	A/A	Cfam_33:23742061	G/G	Cfam_34:195313	A/A	Cfam_34:24396298 A	VA.	Cfam_35:15345329	A/C	Cfam_36:3565500	A/A
Cfam_36:12714421	A/G	Cfam_36:23459390	A/A	Cfam_37:9398945	G/G	Cfam_37:15436615	A/G	Cfam_37:27667297 A	VG	Cfam_38:9224942	C/C	Cfam_38:17657161	A/A

### Panel 2

Cfam_1:72613047	A/G	Cfam_1:74450772	A/A	Cfam_1:119306331	A/G	Cfam_3:10255068	G/G	Cfam_3:37849557	G/G	Cfam_3:43055696	G/G	Cfam_3:43063677	G/G
Cfam_3:64084413	G/G	Cfam_3:90291255	A/A	Cfam_3:91626907	G/G	Cfam_4:42104780	A/A	Cfam_4:67040898	G/G	Cfam_4:70217695	A/A	Cfam_5:13080303	A/G
Cfam_5:36642434	A/A	Cfam_5:44650576	A/A	Cfam_5:55349573	A/A	Cfam_5:64611038	A/G	Cfam_7:3318809	G/G	Cfam_7:6423299	G/G	Cfam_7:15017979	G/G
Cfam_7:76487265	G/G	Cfam_8:6188937	A/G	Cfam_8:19076567	A/G	Cfam_8:24614720	A/A	Cfam_8:52381322	A/G	Cfam_8:67183794	G/G	Cfam_9:20867959	A/G
Cfam_9:32506288	A/G	Cfam_9:50114927	A/G	Cfam_9:56021221	A/G	Cfam_10:8085469	G/G	Cfam_10:14685262	G/G	Cfam_10:39548483	A/G	Cfam_10:47923623	A/G
Cfam_10:57954366	A/A	Cfam_11:1161870	A/G	Cfam_11:62157625	A/G	Cfam_11:70698603	A/A	Cfam_12:6337286	A/A	Cfam_12:8532712	A/G	Cfam_12:23059939	A/G
Cfam_12:40681020	G/G	Cfam_12:70657733	A/A	Cfam_13:40616856	G/G	Cfam_14:55735620	A/G	Cfam_16:29675662	A/C	Cfam_16:58093031	A/A	Cfam_17:9407683	A/A
Cfam_17:12787849	A/A	Cfam_17:57371669	G/G	Cfam_18:10189759	G/G	Cfam_18:16385020	G/G	Cfam_18:16388978	C/C	Cfam_18:31579269	G/G	Cfam_18:47325586	G/G
Cfam_19:30246414	A/G	Cfam_19:40189405	C/C	Cfam_19:42756283	A/G	Cfam_20:6046176	A/G	Cfam_20:45777531	A/G	Cfam_20:48602465	G/G	Cfam_21:22581321	A/A
Cfam_21:29796784	A/A	Cfam_21:31751817	A/A	Cfam_22:20498421	A/G	Cfam_22:33934047	A/A	Cfam_22:37522364	A/G	Cfam_22:39647748	A/G	Cfam_22:61153661	G/G
Cfam_23:44497217	A/G	Cfam_23:48055836	A/A	Cfam_24:18599997	A/A	Cfam_24:27925354	G/G	Cfam_24:30954773	A/G	Cfam_24:43589304	A/G	Cfam_24:45191477	G/G
Cfam_25:4614777	A/G	Cfam_27:20948372	G/G	Cfam_27:34444177	A/G	Cfam_27:42526114	A/A	Cfam_28:9703418	G/G	Cfam_28:12804225	G/G	Cfam_28:34478533	G/G
Cfam_28:35104850	A/A	Cfam_29:4020192	A/G	Cfam_29:4022252	A/G	Cfam_29:19681270	A/A	Cfam_29:22992304	A/A	Cfam_30:10012939	A/G	Cfam_30:11735245	A/G
Cfam_30:27619023	A/G	Cfam_31:20912553	G/G	Cfam_32:13183511	G/G	Cfam_33:15233992	A/G	Cfam_33:22070526	G/G	Cfam_33:22472901	A/A	Cfam_33:22648231	A/A
Cfam_34:24351570	A/A	Cfam_34:34993916	A/G	Cfam_34:37323213	A/A	Cfam_34:41703614	A/G	Cfam_35:15283717	A/G	Cfam_36:288045	G/G	Cfam_36:9241262	A/G
Cfam_36:10084888	A/G	Cfam_36:12723744	A/C	Cfam_36:18627936	A/G	Cfam_37:18338930	A/A	Cfam_37:26611359	G/G	Cfam_37:28611801	G/G	Cfam_37:30110473	G/G
Cfam_37:30902202	A/G	Cfam_38:13098194	C/C	Cfam_38:15271384	A/G	Cfam_38:19172567	A/C	Cfam_38:20930997	A/A	Cfam_X:7828353	X/Y		





# sts générales de la S.C.C.

ELEVAGE DU VAL DE CEZE ELEVAGE DU VAL DE CEZE 242 CHEMIN DU GRASELAS SAINT GELY 30630 CORNILLON FR48483354213

# T-NOBEL DU VAL DE CEZE

Race: BRAQUE ALLEMAND A POIL COURT N° Identification: 250269590895235

Sexe : M

Date de naissance: 16/10/2022

RUE: SCC1934183

Date de prélèvement : 24/05/2024 Vétérinaire : BARITEAU JULIE(24127) Laboratoire : WISDOM PANEL Date de résultat : 03/07/2024

Maladies suivies par le club de race

### A14 - Hyperuricosurie

Résultat: HUU-1.1

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène SLC2A9. Le chien est indemne de la maladie Hyperuricosurie déterminée par la mutation c.616G>T de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

# G60 - Synthèse Insuffisante Du Facteur De Von Willebrand De Type 2

Résultat: VWD2-V2-1.1

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène VWF. Le chien est indemne de la maladie Synthèse Insuffisante Du Facteur De Von Willebrand De Type 2 déterminée par la mutation c. 1657G de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

Maladies sous surveillance

# G10 - Syndrome D'Automutilation Des Pattes

Résultat: AMS-1.1

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène GDNF. Le chien est indemne de la maladie Syndrome D'Automutilation Des Pattes déterminée par la mutation g.70,875,561C>T de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.





# T-NOBEL DU VAL DE CEZE

Race: BRAQUE ALLEMAND A POIL COURT N° Identification: 250269590895235

Sexe: M

Date de naissance: 16/10/2022

RUE: SCC1934183

Date de prélèvement : 24/05/2024 Vétérinaire : BARITEAU JULIE(24127) Laboratoire : WISDOM PANEL Date de résultat : 03/07/2024

### Maladies sous surveillance

## G94 - Achromatopsie

Résultat: ACHR-1.1

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène CNGB3. Le chien est indemne de la maladie Achromatopsie déterminée par la mutation deletion complete de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

### A63 - Locus A Fauve Charbonne

Résultat: LocA-a/a

Interprétation : Homozygote noir uni - le chien est noir uni ou uni. L'animal transmet systématiquement ce caractère (allèle a) à sa descendance. Remarque : ce gène ne s'exprime pas si le chien exprime par ailleurs le caractère extension muté (e/e).

# A61 - Longueur de Poil

Résultat: PL-L/L

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène FGF5. Le chien présente vraisemblablement un poil court, il n'est porteur de l'allèle "poil long" et ne peut donc pas transmettre ce caractère à sa descendance. Selon les races, il peut exister plusieurs variants responsables du caractère "poil long".







# T-NOBEL DU VAL DE CEZE Race: BRAOUE ALLEMAND A POIL COURT N° Identification: 250269590895235

Sexe: M

Date de naissance: 16/10/2022

RUE: SCC1934183

Date de prélèvement: 24/05/2024 Vétérinaire: BARITEAU JULIE(24127) Laboratoire: WISDOM PANEL

Date de résultat: 03/07/2024

### Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

### A64 - Locus B Eumelanine noire ou marron (couleur de base)

Résultat: LocB-b/b

Interprétation: Homozygote eumélanine marron (chocolat) - Le pigment foncé (eumélanine) produit par ce chien est marron, l'animal transmet systématiquement ce caractère à sa descendance. Remarque : ce gène détermine uniquement la couleur de l¿eumélanine, mais n; influe pas sur le patron de la robe.

### A69 - Locus S Panachure de blanc

Résultat: LocS-S/sp

Interprétation : Chien possédant un allèle de panachure responsable de la panachure moyenne. L'animal est porteur du caractère « panachure moyenne » et peut le transmettre à sa descendance.

### A68 - Locus K Noir Dominant

Résultat: LocK-Kb/ky\_kbr/n

Interprétation: Si la robe de base est de couleur noir (ou marron), alors le chien est hétérozygote pour l'allèle Kb "noir dominant" et transmet ce caractère à environ la moitié de ses descendants. Si la robe est bringée, alors le chien est hétérozygote pour l'allèle kbr "bringeures" et transmet ce caractère à environ la moitié de ses descendants ; il ne transmet jamais l'allèle codant pour le "noir dominant".



### T-NOBEL DU VAL DE CEZE

Race: BRAQUE ALLEMAND A POIL COURT N° Identification: 250269590895235

Sexe: M

Date de naissance : 16/10/2022

RUE: SCC1934183

Date de prélèvement : 24/05/2024 Vétérinaire : BARITEAU JULIE(24127) Laboratoire : WISDOM PANEL

AFNOR CERTIFICATION

Date de résultat : 03/07/2024

Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

## G87 - Longueur De Poil - Variant 1

Résultat: PL-1-n/n

Interprétation: Homozygote non muté pour la mutation c.284G>T du gène FGF5. Le chien peut présenter un poil court, mais le phénotype "longueur du poil" dépend également du génotype du chien pour les autres variants du gène FGF5 en fonction de sa race. Le variant 1 (mutation c.284G>T) est le variant le plus répandu et concerne la plupart des races.

### G59 - Locus E Extension

Résultat : LocE-E/E

Interprétation : Homozygote pour le caractère extension - chien produisant des pigments foncés (eumélanines). L'animal transmet systématiquement ce caractère (allèle E) à sa descendance.

