



CENTRALE
CANINE

Tests et Identification
Faire le choix d'une généalogie certifiée.



ELEVAGE DU VAL DE CEZE
ELEVAGE DU VAL DE CEZE
242 CHEMIN DU GRASELAS
SAINT GELY
30630 CORNILLON
FR48483354213

Facture n° R2024033620
Commande : WA150183

Aubervilliers, le 13/02/2024

Désignation	Quantité	Prix Unitaire	Prix HT
Pack Santé Braque Allemand A Poil Court	1	82,500 €	82,500 €
Total Net HT			€82,50
TVA à 20.0%			16,50 €
Total TTC			99,00 €

Conditions de paiement : Facture acquittée le 06/12/2023

Tout incident de paiement est passible d'intérêt de retard. Le montant des pénalités résulte de l'application aux sommes restant dues d'un taux d'intérêt légal en vigueur au moment de l'incident.

Indemnité forfaitaire pour frais de recouvrement due au créancier en cas de retard de paiement: 40€

POUR L'AMELIORATION DES RACES DE CHIENS EN FRANCE
Association loi 1901 - N° Siret : 314 775 495 000 26 - TVA intracommunautaire FR69314775495
155, avenue Jean Jaurès - 93535 AUBERVILLIERS Cedex - FRANCE
Tél. ADN : +33 (0)1 49 37 55 54 - adn.contact@centrale-canine.fr
www.centrale-canine.fr





CENTRALE
CANINE

Identification A.D.N.
Empreinte enregistrée à la S.C.C.

ELEVAGE DU VAL DE CEZE
ELEVAGE DU VAL DE CEZE
242 CHEMIN DU GRASELAS
SAINT GELY
30630 CORNILLON
FR48483354213

SANTO DU VAL DE CEZE

Race : BRAQUE ALLEMAND A POIL COURT
N° Identification : 250269699500552
Sexe : M
Date de naissance : 18/04/2021
RUE : SCC1741079

Date de prélèvement : 29/12/2023
Vétérinaire : STANCA ALINA(39118)
Laboratoire : WISDOM PANEL
Date de résultat : 13/02/2024

Certificat d'Identification Génétique (Norme ISAG2006)

Marqueur	Allèle 1	Allèle 2	Marqueur	Allèle 1	Allèle 2
AHT121	100	100	INRA21	105	105
AHT137	145	145	INU005	124	124
AHT130	117	133	INU030	144	148
AHT171	225	225	INU055	210	214
AHT260	248	248	REN105L03	231	235
AHTk211	091	095	REN162C04	202	208
AHTk253	288	288	REN169D001	216	216
AMELOGENIN	Y	X	REN169O18	162	170
CXX279	118	124	REN274M23	268	268
FH2054	152	172	REN54P11	234	240
FH2848	240	240	REN64E19	147	147

Compatibilité de Filiation

Etalon : LION DU VAL DE CEZE - 250269606537633
Lice : PLUME DU VAL DE CEZE - 250269100053126

Résultat (Norme ISAG 2006)
COMPATIBLE

Résultat (Norme ISAG 2020)
IDENTIFICATION GÉNÉTIQUE RÉALISÉE

Le présent certificat procède de la transmission informatique (valant signature) d'une analyse effectuée par un laboratoire titulaire d'un certificat ISAG 2006 de rang 1, sélectionné lors d'une consultation libre publiée au JOUE / S151 sous le n°263076-2013-FR. Les communications avec ce laboratoire ont été effectuées sous anonymat préalablement mis en œuvre par les équipes de la SCC afin de garantir la confidentialité des échanges et la traçabilité des échantillons. En cas de prélèvement, la SCC s'assure qu'il soit réalisé par un vétérinaire inscrit auprès de l'Ordre des Vétérinaires.

POUR L'AMELIORATION DES RACES DE CHIENS EN FRANCE
Association loi 1901 - N° Siret : 314 775 495 000 26 - TVA intracommunautaire FR69314775495
155, avenue Jean Jaurès - 93535 AUBERVILLIERS Cedex - FRANCE
Tél. ADN : +33 (0)1 49 37 55 54 - adn.contact@centrale-canine.fr
www.centrale-canine.fr



ELEVAGE DU VAL DE CEZE
ELEVAGE DU VAL DE CEZE
242 CHEMIN DU GRASELAS
SAINT GELY
30630 CORNILLON
FR48483354213

SANTO DU VAL DE CEZE

Race : BRAQUE ALLEMAND A POIL COURT
N° Identification : 250269699500552
Sexe : M
Date de naissance : 18/04/2021
RUE : SCC1741079

Date de prélèvement : 29/12/2023
Vétérinaire : STANCA ALINA(39118)
Laboratoire : WISDOM PANEL
Date de résultat : 13/02/2024

Certificat d'Identification Génétique (Norme ISAG2020)

Panel 1

Cfam_1:3962719 A/G	Cfam_1:20842130 A/G	Cfam_1:70238933 A/G	Cfam_1:80971770 A/A	Cfam_1:106430955 A/G	Cfam_1:119414584 A/G	Cfam_2:2610859 A/A
Cfam_2:38293797 G/G	Cfam_2:77806065 A/G	Cfam_3:1252765 A/A	Cfam_3:24757939 A/G	Cfam_3:73570828 A/G	Cfam_4:31301072 A/G	Cfam_4:64121754 A/G
Cfam_4:75910211 A/G	Cfam_4:86049027 A/G	Cfam_5:5410890 A/A	Cfam_5:26320165 A/A	Cfam_5:85451804 G/G	Cfam_6:11553458 A/A	Cfam_6:33976751 A/G
Cfam_6:64006720 A/A	Cfam_7:76294 G/G	Cfam_7:15011628 A/G	Cfam_7:36555518 G/G	Cfam_8:5291824 A/A	Cfam_8:18121580 G/G	Cfam_8:45852939 G/G
Cfam_8:63196958 A/G	Cfam_9:22610227 A/A	Cfam_9:40096141 A/G	Cfam_9:52710991 G/G	Cfam_9:60437147 A/G	Cfam_10:10652659 A/A	Cfam_10:22409408 A/A
Cfam_10:30034450 A/G	Cfam_10:66922269 A/A	Cfam_11:5318488 A/A	Cfam_11:23907101 A/A	Cfam_11:65603333 A/A	Cfam_12:5579055 G/G	Cfam_12:35306641 A/G
Cfam_12:55201839 G/G	Cfam_12:68125319 A/G	Cfam_13:8704192 A/A	Cfam_13:59896033 A/A	Cfam_14:50063321 A/A	Cfam_14:58465266 A/A	Cfam_15:19299365 G/G
Cfam_15:22834903 C/C	Cfam_16:29634940 A/A	Cfam_16:46884446 A/C	Cfam_16:57958947 A/G	Cfam_17:10649078 A/A	Cfam_17:34462308 A/A	Cfam_17:39124697 C/C
Cfam_18:6745949 A/A	Cfam_18:54361347 A/A	Cfam_19:841347 A/A	Cfam_19:15926130 A/C	Cfam_19:27288167 A/C	Cfam_19:47470564 C/C	Cfam_20:13740894 G/G
Cfam_20:49900586 A/A	Cfam_20:57167714 G/G	Cfam_21:15558670 A/G	Cfam_21:25537675 A/G	Cfam_21:35719434 A/G	Cfam_22:641125 A/A	Cfam_22:26694580 A/G
Cfam_22:55308193 A/C	Cfam_23:42886681 A/C	Cfam_23:50772488 A/A	Cfam_24:23393510 C/C	Cfam_24:29909901 A/G	Cfam_24:47381908 A/G	Cfam_25:2073511 C/C
Cfam_25:33986348 A/G	Cfam_25:47708600 G/G	Cfam_26:20004896 G/G	Cfam_26:35071515 A/G	Cfam_27:2619058 A/A	Cfam_27:22599860 A/G	Cfam_27:41049333 A/C
Cfam_28:9877730 A/A	Cfam_28:18509221 A/G	Cfam_28:38885325 A/A	Cfam_29:251970 G/G	Cfam_29:9625359 A/G	Cfam_29:17561258 G/G	Cfam_29:36319325 A/A
Cfam_30:3896482 A/A	Cfam_30:15542105 A/G	Cfam_30:32852404 A/G	Cfam_31:21068798 G/G	Cfam_31:39391935 A/G	Cfam_32:679380 G/G	Cfam_32:17792284 A/G
Cfam_32:32382778 A/A	Cfam_33:15018500 A/A	Cfam_33:23742061 G/G	Cfam_34:195313 A/A	Cfam_34:24396298 A/A	Cfam_35:15345329 C/C	Cfam_36:3565500 A/A
Cfam_36:12714421 A/A	Cfam_36:23459390 A/G	Cfam_37:9398945 A/G	Cfam_37:15436615 A/G	Cfam_37:27667297 A/A	Cfam_38:9224942 A/A	Cfam_38:17657161 A/G
Cfam_38:20441216 A/G	Cfam_X:7828353 X/Y					

Panel 2

Cfam_1:72613047 A/A	Cfam_1:74450772 A/A	Cfam_1:119306331 G/G	Cfam_3:10255068 A/G	Cfam_3:37849557 A/G	Cfam_3:43055696 A/G	Cfam_3:43063677 A/G
Cfam_3:64084413 G/G	Cfam_3:90291255 A/G	Cfam_3:91626907 A/G	Cfam_4:42104780 A/A	Cfam_4:67040898 G/G	Cfam_4:70217695 A/G	Cfam_5:13080303 A/G
Cfam_5:36642434 A/A	Cfam_5:44650576 A/A	Cfam_5:55349573 G/G	Cfam_5:64611038 G/G	Cfam_7:3318809 A/A	Cfam_7:6423299 A/G	Cfam_7:15017979 A/G
Cfam_7:76487265 A/G	Cfam_8:6188937 A/A	Cfam_8:19076567 G/G	Cfam_8:24614720 G/G	Cfam_8:52381322 A/A	Cfam_8:67183794 G/G	Cfam_9:20867959 A/A
Cfam_9:32506288 G/G	Cfam_9:50114927 A/A	Cfam_9:56021221 A/A	Cfam_10:8085469 G/G	Cfam_10:14685262 A/G	Cfam_10:3954483 G/G	Cfam_10:47923623 G/G
Cfam_10:57954366 A/A	Cfam_11:1161870 G/G	Cfam_11:62157625 A/A	Cfam_11:70698603 A/A	Cfam_12:6337286 A/A	Cfam_12:8532712 A/A	Cfam_12:23059939 A/A
Cfam_12:40681020 G/G	Cfam_12:70657733 A/A	Cfam_13:40616856 A/G	Cfam_14:55735620 A/A	Cfam_16:29675662 A/C	Cfam_16:58093031 A/C	Cfam_17:9407683 A/G
Cfam_17:12787849 A/C	Cfam_17:57371669 G/G	Cfam_18:10189759 G/G	Cfam_18:16385020 G/G	Cfam_18:16388978 C/C	Cfam_18:31579269 G/G	Cfam_18:47325586 G/G
Cfam_19:30246414 A/A	Cfam_19:40189405 C/C	Cfam_19:42756283 A/G	Cfam_20:6046176 A/A	Cfam_20:45777531 G/G	Cfam_20:48602465 A/A	Cfam_21:22581321 A/A
Cfam_21:29796784 A/A	Cfam_21:31751817 A/A	Cfam_22:20498421 A/G	Cfam_22:33934047 A/A	Cfam_22:37522364 A/G	Cfam_22:39647748 G/G	Cfam_22:61153661 G/G
Cfam_23:44497217 A/G	Cfam_23:48055836 A/A	Cfam_24:18599997 A/A	Cfam_24:27925354 A/G	Cfam_24:30954773 A/G	Cfam_24:43589304 A/A	Cfam_24:45191477 A/G
Cfam_25:4614777 A/G	Cfam_27:20948372 A/G	Cfam_27:34444177 A/A	Cfam_27:42526114 A/G	Cfam_28:9703418 A/A	Cfam_28:12804225 G/G	Cfam_28:34478533 G/G
Cfam_28:35104850 A/A	Cfam_29:4020192 A/A	Cfam_29:4022252 G/G	Cfam_29:19681270 A/A	Cfam_29:22992304 A/A	Cfam_30:10012939 A/G	Cfam_30:11735245 A/A
Cfam_30:27619023 A/A	Cfam_31:20912553 A/G	Cfam_32:13183511 G/G	Cfam_33:15233992 A/A	Cfam_33:22070526 A/G	Cfam_33:22472901 A/C	Cfam_33:22648231 A/G
Cfam_34:24351570 G/G	Cfam_34:34993916 A/G	Cfam_34:37323213 A/A	Cfam_34:41703614 A/G	Cfam_35:15283717 A/A	Cfam_36:288045 A/G	Cfam_36:9241262 A/G
Cfam_36:10084888 A/G	Cfam_36:12723744 A/A	Cfam_36:18627936 A/A	Cfam_37:18338930 A/A	Cfam_37:26611359 A/G	Cfam_37:28611801 A/G	Cfam_37:30110473 G/G
Cfam_37:30902202 A/A	Cfam_38:13098194 C/C	Cfam_38:15271384 A/A	Cfam_38:19172567 C/C	Cfam_38:20930997 A/A	Cfam_X:7828353 X/Y	

Le présent certificat procède de la transmission informatique (valant signature) d'une analyse effectuée par un laboratoire titulaire d'un certificat ISAG 2006 de rang 1, sélectionné lors d'une consultation libre publiée au JOUE / S151 sous le n°263076-2013-FR. Les communications avec ce laboratoire ont été effectuées sous anonymat préalablement mis en œuvre par les équipes de la SCC afin de garantir la confidentialité des échanges et la traçabilité des échantillons. En cas de prélèvement, la SCC s'assure qu'il soit réalisé par un vétérinaire inscrit auprès de l'Ordre des Vétérinaires.

POUR L'AMELIORATION DES RACES DE CHIENS EN FRANCE
Association loi 1901 - N° Siret : 314 775 495 000 26 - TVA intracommunautaire FR69314775495
155, avenue Jean Jaurès - 93535 AUBERVILLIERS Cedex - FRANCE
Tél. ADN : +33 (0)1 49 37 55 54 - adn.contact@centrale-canine.fr
www.centrale-canine.fr



ELEVAGE DU VAL DE CEZE
ELEVAGE DU VAL DE CEZE
242 CHEMIN DU GRASELAS
SAINT GELY
30630 CORNILLON
FR48483354213

SANTO DU VAL DE CEZE

Race : BRAQUE ALLEMAND A POIL COURT
N° Identification : 250269699500552
Sexe : M
Date de naissance : 18/04/2021
RUE : SCC1741079

Date de prélèvement : 29/12/2023
Vétérinaire : STANCA ALINA(39118)
Laboratoire : WISDOM PANEL
Date de résultat : 13/02/2024

Maladies suivies par le club de race

A14 - Hyperuricosurie

Résultat : HUU-1.1

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène SLC2A9. Le chien est indemne de la maladie Hyperuricosurie déterminée par la mutation c.616G>T de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

G60 - Synthèse Insuffisante Du Facteur De Von Willebrand De Type 2

Résultat : VWD2-V2-1.1

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène VWF. Le chien est indemne de la maladie Synthèse Insuffisante Du Facteur De Von Willebrand De Type 2 déterminée par la mutation c.1657G de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

Maladies sous surveillance

G10 - Syndrome D'Automutilation Des Pattes

Résultat : AMS-1.1

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène GDNF. Le chien est indemne de la maladie Syndrome D'Automutilation Des Pattes déterminée par la mutation g.70,875,561C>T de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

Le présent certificat procède de la transmission informatique (valant signature) d'une analyse effectuée par un laboratoire titulaire d'un certificat ISAG 2006 de rang 1, sélectionné lors d'une consultation libre publiée au JOUE / S151 sous le n°263076-2013-FR. Les communications avec ce laboratoire ont été effectuées sous anonymat préalablement mis en œuvre par les équipes de la SCC afin de garantir la confidentialité des échanges et la traçabilité des échantillons. En cas de prélèvement, la SCC s'assure qu'il soit réalisé par un vétérinaire inscrit auprès de l'Ordre des Vétérinaires.

POUR L'AMELIORATION DES RACES DE CHIENS EN FRANCE
Association loi 1901 - N° Siret : 314 775 495 000 26 - TVA intracommunautaire FR69314775495
155, avenue Jean Jaurès - 93535 AUBERVILLIERS Cedex - FRANCE
Tél. ADN : +33 (0)1 49 37 55 54 - adn.contact@centrale-canine.fr
www.centrale-canine.fr



SANTO DU VAL DE CEZE

Race : BRAQUE ALLEMAND A POIL COURT
N° Identification : 250269699500552
Sexe : M
Date de naissance : 18/04/2021
RUE : SCC1741079

Date de prélèvement : 29/12/2023
Vétérinaire : STANCA ALINA(39118)
Laboratoire : WISDOM PANEL
Date de résultat : 13/02/2024

Maladies sous surveillance

G94 - Achromatopsie

Résultat : ACHR-1.1

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène CNGB3. Le chien est indemne de la maladie Achromatopsie déterminée par la mutation deletion complete de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

A63 - Locus A Fauve Charbonne

Résultat : LocA-at/a

Interprétation : Hétérozygote marques feu / à manteau - le chien est marqué de feu ou à manteau. L'animal peut transmettre ce caractère (allèle at) en moyenne à la moitié de sa descendance, de même pour le caractère noir uni (allèle a). Remarque : ce gène ne s'exprime pas si le chien est par ailleurs porteur du caractère dominant noir (Kb/-) ou s'il exprime le caractère extension muté (e/e).

A61 - Longueur de Poil

Résultat : PL-L/L

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène FGF5. Le chien présente vraisemblablement un poil court, il n'est porteur de l'allèle "poil long" et ne peut donc pas transmettre ce caractère à sa descendance. Selon les races, il peut exister plusieurs variants responsables du caractère "poil long".

Le présent certificat procède de la transmission informatique (valant signature) d'une analyse effectuée par un laboratoire titulaire d'un certificat ISAG 2006 de rang 1, sélectionné lors d'une consultation libre publiée au JOUE / S151 sous le n°263076-2013-FR. Les communications avec ce laboratoire ont été effectuées sous anonymat préalablement mis en œuvre par les équipes de la SCC afin de garantir la confidentialité des échanges et la traçabilité des échantillons. En cas de prélèvement, la SCC s'assure qu'il soit réalisé par un vétérinaire inscrit auprès de l'Ordre des Vétérinaires.



SANTO DU VAL DE CEZE

Race : BRAQUE ALLEMAND A POIL COURT
N° Identification : 250269699500552
Sexe : M
Date de naissance : 18/04/2021
RUE : SCC1741079

Date de prélèvement : 29/12/2023
Vétérinaire : STANCA ALINA(39118)
Laboratoire : WISDOM PANEL
Date de résultat : 13/02/2024

Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

A64 - Locus B Eumelanine noire ou marron (couleur de base)

Résultat : LocB-b/b

Interprétation : Homozygote eumélanine marron (chocolat) - Le pigment foncé (eumélanine) produit par ce chien est marron, l'animal transmet systématiquement ce caractère à sa descendance. Remarque : ce gène détermine uniquement la couleur de l'eumélanine, mais n'influe pas sur le patron de la robe.

A69 - Locus S Panachure de blanc

Résultat : LocS-S/sp

Interprétation : Chien possédant un allèle de panachure responsable de la panachure moyenne. L'animal est porteur du caractère « panachure moyenne » et peut le transmettre à sa descendance.

A68 - Locus K Noir Dominant

Résultat : Lock-Kb/Kb

Interprétation : Homozygote noir, le chien est noir, l'animal transmet systématiquement ce caractère à sa descendance. Remarque : ce gène ne s'exprime pas si le chien exprime par ailleurs le caractère extension muté (e/e).

Le présent certificat procède de la transmission informatique (valant signature) d'une analyse effectuée par un laboratoire titulaire d'un certificat ISAG 2006 de rang 1, sélectionné lors d'une consultation libre publiée au JOUE / S151 sous le n°263076-2013-FR. Les communications avec ce laboratoire ont été effectuées sous anonymat préalablement mis en œuvre par les équipes de la SCC afin de garantir la confidentialité des échanges et la traçabilité des échantillons. En cas de prélèvement, la SCC s'assure qu'il soit réalisé par un vétérinaire inscrit auprès de l'Ordre des Vétérinaires.

POUR L'AMELIORATION DES RACES DE CHIENS EN FRANCE
Association loi 1901 - N° Siret : 314 775 495 000 26 - TVA intracommunautaire FR69314775495
155, avenue Jean Jaurès - 93535 AUBERVILLIERS Cedex - FRANCE
Tél. ADN : +33 (0)1 49 37 53 54 - adn.contact@centrale-canine.fr
www.centrale-canine.fr



SANTO DU VAL DE CEZE

Race : BRAQUE ALLEMAND A POIL COURT
N° Identification : 250269699500552
Sexe : M
Date de naissance : 18/04/2021
RUE : SCC1741079

Date de prélèvement : 29/12/2023
Vétérinaire : STANCA ALINA(39118)
Laboratoire : WISDOM PANEL
Date de résultat : 13/02/2024

Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

G87 - Longueur De Poil - Variant 1

Résultat : PL-1-n/n

Interprétation : Homozygote non muté pour la mutation c.284G>T du gène FGF5. Le chien peut présenter un poil court, mais le phénotype "longueur du poil" dépend également du génotype du chien pour les autres variants du gène FGF5 en fonction de sa race. Le variant 1 (mutation c.284G>T) est le variant le plus répandu et concerne la plupart des races.

G59 - Locus E Extension

Résultat : LocE-E/E

Interprétation : Homozygote pour le caractère extension - chien produisant des pigments foncés (eumélanines). L'animal transmet systématiquement ce caractère (allèle E) à sa descendance.

Le présent certificat procède de la transmission informatique (valant signature) d'une analyse effectuée par un laboratoire titulaire d'un certificat ISAG 2006 de rang 1, sélectionné lors d'une consultation libre publiée au JOUE / S151 sous le n°263076-2013-FR. Les communications avec ce laboratoire ont été effectuées sous anonymat préalablement mis en œuvre par les équipes de la SCC afin de garantir la confidentialité des échanges et la traçabilité des échantillons. En cas de prélèvement, la SCC s'assure qu'il soit réalisé par un vétérinaire inscrit auprès de l'Ordre des Vétérinaires.

POUR L'AMELIORATION DES RACES DE CHIENS EN FRANCE
Association loi 1901 - N° Siret : 314 775 495 000 26 - TVA intracommunautaire FR69314775495
155, avenue Jean Jaurès - 93535 AUBERVILLIERS Cedex - FRANCE
Tél. ADN : +33 (0)1 49 37 55 54 – adn.contact@centrale-canine.fr
www.centrale-canine.fr

